



THE GENETIC TESTING REPORT

精准健康
智慧生活



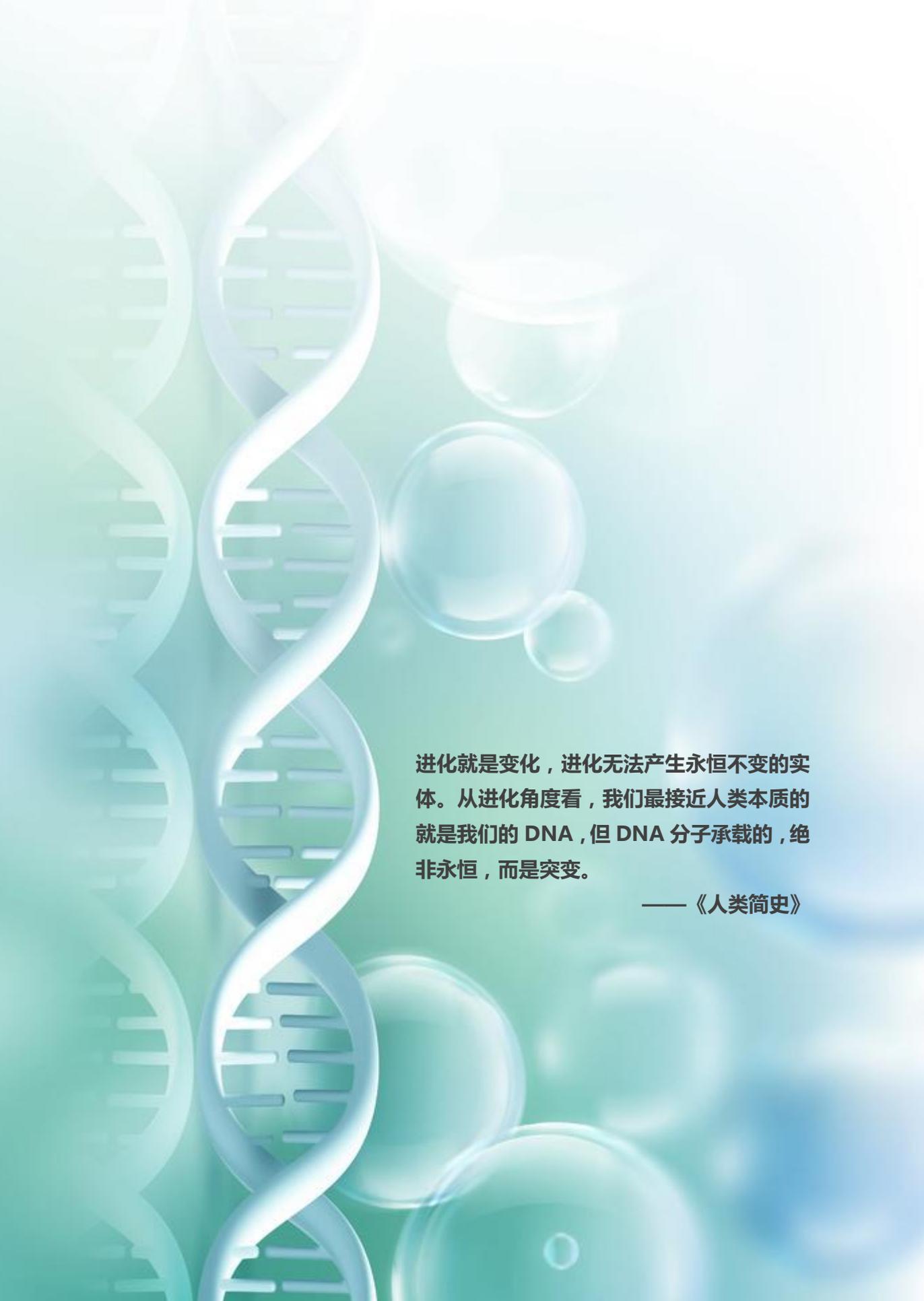


前言 FOREWORD

基因，来自于希腊语，意思为“生”。我们体内的基因遗传自我们的父亲和母亲，储存着生命的基本构造和功能信息，涉及我们的生、老、病、死等所有过程。在上世纪的时候，对个人的基因组的检测和解读还停留在研究初期，如今，技术的革新让我们对越来越多的现象有了基因层面的解释，包括性别、种族、肤色、肿瘤、遗传病等等。

基因是 DNA 分子上具有遗传效应的片段，就人类而言，从一个受精卵开始直至发育成成人所需要的全部信息都储存在受精卵细胞核的 DNA 中，随着生命的开始，沿着时间的方向，DNA 上各种不同的基因顺序启动并发挥作用，直至生命终止。

基因检测是生命最早的预警，也是生命最精确、最高水平的诊断。基因检测精确定格生命的生理健康状态，探知过去、指导当下、预示未来。



进化就是变化，进化无法产生永恒不变的实体。从进化角度看，我们最接近人类本质的就是我们的DNA，但DNA分子承载的，绝非永恒，而是突变。

——《人类简史》

关于 我们

ABOUT US

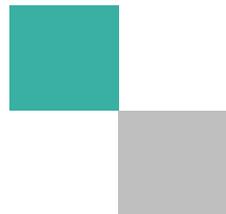
SmartHealth 赋予个人有价值的生命健康信息，通过简单采样基因检测，发现基因如何影响个人的饮食、药物反应、疾病风险，从而提供基因组个性化营养膳食和健身建议，帮助人们精准管理生命健康，积极预防疾病，更好的掌控自己的优质健康生活。



慧算是一家聚焦肿瘤精准医疗、健康营养管理等多方面的生物医学大数据公司，于 2016 年获得了发改委首批“国家基因检测技术应用示范中心”，承建“高发肿瘤及遗传性疾病基因检测示范中心”。慧算旗下现有慧算医疗科技(上海)有限公司、慧算健康管理(上海)有限公司、慧算基因科技(上海)有限公司、上海慧算生物技术有限公司。分别聚焦肿瘤精准医疗、健康营养管理、基因检测销售服务、科技研发服务，致力于打造国内领先的生物医学大数据公司。



认知生命科学
探索 DNA 密码
COGNITION
EXPLORE





女性体质健康 19 项 基因检测套餐

GENE DETECTION

体质，是由先天遗传和后天获得所形成的，人类个体在形态结构和功能活动方面所固有的、相对稳定的特性。个体体质的不同，表现为在生理状态下对外界刺激的反应和适应上的某些差异性，以及发病过程中对某些致病因子的易感性和疾病发展的倾向性。

特别申明

SPECIAL STATEMENT

1.由于基因结构复杂性、遗传异质性和目前科学研究的局限性等原因,本报告内容可以帮助受检者从基因层面了解自己的身体状况,从而更针对性地预防疾病,提高生活质量,实现精准个人健康管理。其中的结果与建议可作为健康管理或临床诊断的参考资料,但不能作为疾病诊断的唯一标准。

2.随着科学技术的不断发展,遗传个性评估体系的发展,本公司承诺:保证检测结果的准确性,并定期跟进科学研究进展,不断优化算法、完善数据库。目前科研报道的基因变异只能解释引起表型一部分基因,其他与表型相关的基因还未被发现,因此本报告只针对目前已知的基因变异做出评估。

3.我们采用国际先进水平的基因检测技术平台,对于您提供的生物样本,您需要确保提供的样本属于受检者本人。如果您提供的基因样本未取得适当授权或存在法律、技术上的瑕疵,您需要承担因此导致的所有侵权或损害赔偿责任,包括本公司由于您的委托提供服务可能产生的责任。

4.任何人的遗传基因信息都属于个人隐私范畴,本公司对您的个人资料,包括个人信息和遗传信息予以严格保密管理,在没有获得您本人同意或国家法律法规强制性要求公开的情况下他人无权获知、获悉;了解或利用该信息。

5.在极少数情况下,如受检者近期接受过异体输血、移植手术、干细胞治疗等,其检测结果可能会受到一定影响。

上海生物信息技术研究中心

慧算健康管理(上海)有限公司

上海至利康家庭健康管理中心



个人信息

PERSONAL INFORMATION

姓名：	毛春华
性别：	女
年龄：	36
样本编号：	SH190006725
送检日期：	2019-12-09
报告日期：	2019-12-24



目录

TABLE OF CONTENTS

检测结果汇总.....	1
详细解读.....	3
乳腺癌发生风险	4
卵巢癌发生风险	6
宫颈癌发生风险	8
子宫内膜癌发生风险	10
高血压发生风险	12
冠心病发生风险	14
心肌梗塞发生风险	16
脑梗死发生风险	18
I型糖尿病发生风险	20
II型糖尿病发生风险	22
骨质疏松发生风险	24
失眠症发生风险	26
偏头痛发生风险	27

抑郁症发生风险.....	29
强迫症发生风险.....	31
皮肤抗衰老能力.....	33
荷尔蒙分泌水平.....	35
卵巢早衰发生风险.....	36
更年期综合症发生风险.....	38
附录及参考文献.....	40



检测结果汇总

序号	检测项目	风险值	结果说明	风险评估
1	乳腺癌发生风险	0.38	相对风险较低	
2	卵巢癌发生风险	0.15	相对风险较低	
3	宫颈癌发生风险	1.62	相对风险较高	
4	子宫内膜癌发生风险	1.10	相对风险正常	
5	高血压发生风险	2.00	相对风险较高	
6	冠心病发生风险	1.00	相对风险正常	
7	心肌梗塞发生风险	0.94	相对风险正常	
8	脑梗死发生风险	0.44	相对风险较低	
9	I型糖尿病发生风险	0.93	相对风险正常	
10	II型糖尿病发生风险	1.45	相对风险较高	
11	骨质疏松发生风险	0.95	相对风险正常	
12	失眠症发生风险	0.01	相对风险较低	
13	偏头痛发生风险	0.89	相对风险正常	

14	抑郁症发生风险	1.06	相对风险正常	
15	强迫症发生风险	0.28	相对风险较低	
16	皮肤抗衰老能力	1.20	相对能力较强	
17	荷尔蒙分泌水平	1.00	相对水平正常	
18	卵巢早衰发生风险	1.09	相对风险正常	
19	更年期综合症发生风险	1.08	相对风险正常	



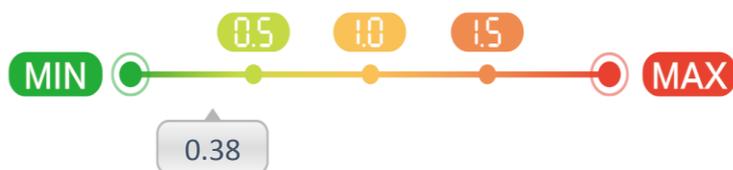
乳腺癌发生风险

相关简介

女性乳腺是由皮肤、纤维组织、乳腺腺体和脂肪组成的，乳腺癌是发生在乳腺腺上皮组织的恶性肿瘤。乳腺癌中 99%发生在女性，男性仅占 1%。乳腺并不是维持人体生命活动的重要器官，原位乳腺癌并不致命；但由于乳腺癌细胞丧失了正常细胞的特性，细胞之间连接松散，容易脱落。癌细胞一旦脱落，游离的癌细胞可以随血液或淋巴液播散全身，形成转移，危及生命。目前乳腺癌已成为威胁女性身心健康的常见肿瘤。乳腺癌的病因尚未完全清楚，研究发现乳腺癌的发病存在一定的规律性，具有乳腺癌高危因素的女性容易患乳腺癌。

风险预测

您的相对风险值为 0.38，属于相对风险较低。这意味着您与普通人群的平均风险值（1.0）相比低 62%。图为相对于人群的检测结果显示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
/	rs889312	A/C	1.13

/	rs2046210	C/C	1.00
ATM	rs28904921	T/T	1.00
ATM	rs3092856	C/C	1.00
BRCA1	rs16942	A/A	1.00
BRCA1	rs1799950	A/A	1.00
BRCA1	rs1799966	T/T	1.00
BRCA2	rs766173	A/A	1.00
BRCA2	rs144848	A/C	1.04
BRCA2	rs1799954	C/C	0.69
BRCA2	rs4987117	C/C	1.00
CASC16	rs3803662	C/T	1.23
CASC16	rs4784227	C/T	1.18
CDKN1B	rs34330	C/C	1.00
ERBB4	rs13393577	T/T	1.00
FGFR2	rs2981579	C/C	1.54
FGFR2	rs2981582	C/C	1.74
TAB2	rs9485372	G/G	1.00

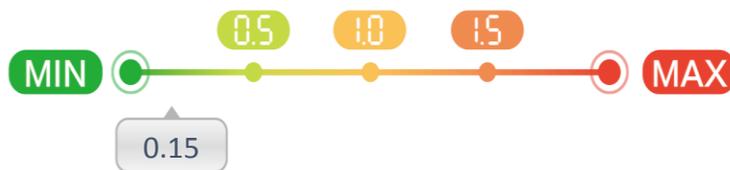
卵巢癌发生风险

相关简介

卵巢恶性肿瘤是女性生殖器官常见的恶性肿瘤之一，发病率仅次于子宫颈癌和子宫体癌。卵巢恶性肿瘤中以上皮癌最多见，其次是恶性生殖细胞肿瘤。其中卵巢上皮癌死亡率占各类妇科肿瘤的首位，对女性生命造成严重威胁。由于卵巢深居盆腔，体积小，缺乏典型症状，难以早期发现。卵巢上皮癌患者手术中发现肿瘤局限于卵巢的仅占不足 30%，大多数已扩散到盆腹腔器官，所以早期诊断是一大难题。卵巢恶性肿瘤的病因仍不明确，可能与以下因素有关：①遗传因素，尤其是家族中有卵巢癌、乳腺癌、胰腺癌、前列腺癌、结直肠癌等患者时，亲属卵巢癌的发病风险可能增高。②内分泌因素，如初潮早、无生育史等。

风险预测

您的相对风险值为 0.15，属于相对风险较低。这意味着您与普通人群的平均风险值（1.0）相比低 85%。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
-----	------	-----	-----

/	rs55770810	C/C	1.00
BRCA1	rs28897696	C/C	1.00
BRCA1	rs4320932	C/T	0.85
CYP3A4	rs2740574	A/A	1.00
ESR1/SYNE1	rs2295190	G/T	1.09
HAGLR/HAGLROS	rs2072590	G/G	1.00
IGF2	rs3814113	A/A	1.00
LINC00824	rs10088218	G/G	1.00
PGR	rs1042838	G/G	1.00
PON1	rs662	A/G	0.67
SKAP1	rs9303542	A/G	1.14
TIPARP	rs2665390	T/T	1.00

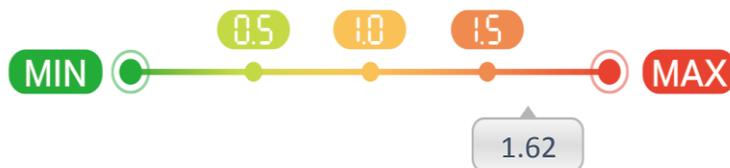
宫颈癌发生风险

相关简介

宫颈癌是最常见的妇科恶性肿瘤。原位癌高发年龄为 30~35 岁，浸润癌为 45~55 岁，近年来其发病有年轻化的趋势。近几十年宫颈细胞学筛查的普遍应用，使宫颈癌和癌前病变得以早期发现和治疗，宫颈癌的发病率和死亡率已有明显下降。早期宫颈癌常无明显症状和体征，宫颈可光滑或难与宫颈柱状上皮异位区别。颈管型患者因宫颈外观正常易漏诊或误诊。根据病史、症状、妇科检查和/或阴道镜检查并进行宫颈组织活检可以确诊。子宫颈癌的转移，可向邻近组织和器官直接蔓延，向下至阴道穹窿及阴道壁，向上可侵犯子宫体，向两侧可侵犯盆腔组织，向前可侵犯膀胱，向后可侵犯直肠。也可通过淋巴管转移至子宫颈旁，腹股沟淋巴结，晚期甚至可转移至锁骨上及全身其他淋巴结。

风险预测

您的相对风险值为 1.62，属于相对风险较高。这意味着您与普通人群的平均风险值（1.0）相比高 62%。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
CDKN1A	rs1801270	A/C	0.74
HLA-DPA1	rs3077	C/T	1.51
IL17A	rs2275913	A/G	1.46
SLIT3	rs11134527	A/G	1.00

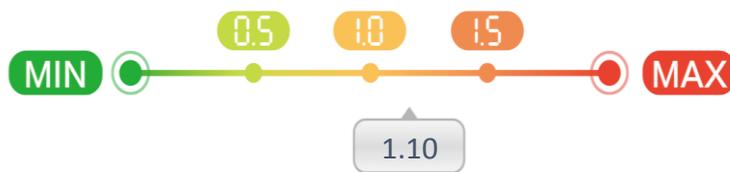
子宫内膜癌发生风险

相关简介

子宫内膜癌是发生于子宫内膜的一组上皮性恶性肿瘤，好发于围绝经期和绝经后女性。子宫内膜癌是最常见的女性生殖系统肿瘤之一，每年有接近20万的新发病例，并是导致死亡的第三位常见妇科恶性肿瘤（仅次于卵巢癌和宫颈癌）。其发病与生活方式密切相关，发病率在各地区有差异，在北美和欧洲其发生率仅次于乳腺癌、肺癌、结直肠肿瘤，高居女性生殖系统癌症的首位。在我国，随着社会的发展和经济条件的改善，子宫内膜癌的发病率亦逐年升高，目前仅次于宫颈癌，居女性生殖系统恶性肿瘤的第二位。

风险预测

您的相对风险值为 1.10，属于相对风险正常。这意味着您处于人群正常风险范围内。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
COMT	rs4633	C/C	1.00
CYP1B1	rs1056836	G/G	1.24

CYP1B1	rs1800440	A/A	1.00
ESR1	rs9340799	A/A	1.00

高血压发生风险

相关简介

高血压是指以体循环动脉血压(收缩压和/或舒张压)增高为主要特征(收缩压 ≥ 140 mmHg,舒张压 ≥ 90 mmHg),可伴有心、脑、肾等器官的功能或器质性损害的临床综合征。高血压是最常见的慢性病,也是心脑血管病最主要的危险因素。正常人的血压随内外环境变化在一定范围内波动。在整体人群,血压水平随年龄逐渐升高,以收缩压更为明显,但50岁后舒张压呈现下降趋势,脉压也随之加大。近年来,人们对心血管病多重危险因素的作用以及心、脑、肾靶器官保护的认识不断深入,高血压的诊断标准也在不断调整,目前认为同一血压水平的患者发生心血管病的危险不同,因此有了血压分层的概念,即发生心血管病危险度不同的患者,适宜血压水平应有不同。

风险预测

您的相对风险值为 2.00,属于相对风险较高。这意味着您与普通人群的平均风险值(1.0)相比高 100%。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
-----	------	-----	-----

ATP2B1	rs17249754	C/T	1.22
ATP2B1	rs2681472	A/G	1.18
CNNM2	rs11191548	C/T	1.16
NOS3	rs2070744	T/T	2.14

健康管理建议

■ 饮食建议

适当减少味精、酱油等含钠盐的调味品和用量；少吃或不吃含钠盐量较高的各类加工食品，如咸菜、火腿、香肠等；适当增加钾含量高食物摄入，如香蕉。

■ 运动建议

体力活动计划包括三个阶段：①运动前先做轻度热身活动；②根据自己的耐受程度，进行持续或间歇式有氧运动或抗阻训练；③放松阶段逐渐减少用力，使心脑血管系统的反应和身体产热功能逐渐稳定下来。

■ 生活建议

劳逸结合，保持情绪稳定，睡眠充足。定期测量血压，1-2周应至少测量一次。老年人降压不能操之过急，血压宜控制在140-159mmHg，减少心脑血管并发症的发生。

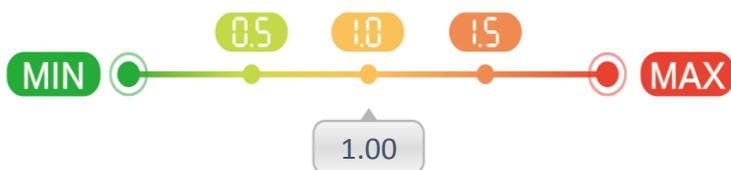
冠心病发生风险

相关简介

冠状动脉粥样硬化性心脏病是冠状动脉血管发生动脉粥样硬化病变而引起血管腔狭窄或阻塞，造成心肌缺血、缺氧或坏死而导致的心脏病，常常被称为“冠心病”。但是冠心病的范围可能更广泛，还包括炎症、栓塞等导致管腔狭窄或闭塞。世界卫生组织将冠心病分为 5 大类：无症状心肌缺血（隐匿性冠心病）、心绞痛、心肌梗死、缺血性心力衰竭（缺血性心脏病）和猝死 5 种临床类型。临床中常常分为稳定性冠心病和急性冠状动脉综合征。

风险预测

您的相对风险值为 1.00，属于相对风险正常。这意味着您处于人群正常风险范围内。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
/	rs10757278	A/G	1.27
/	rs1333049	G/C	1.47
ESR1	rs2234693	C/T	1.00

MIA3

rs17465637

A/C

1.14

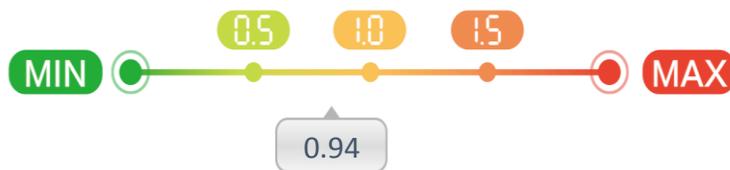
心肌梗塞发生风险

相关简介

心肌梗塞是冠状动脉急性、持续性缺血缺氧所引起的心肌坏死。临床上多有剧烈而持久的胸骨后疼痛，休息及硝酸酯类药物不能完全缓解，伴有血清心肌酶活性增高及进行性心电图变化，可并发心律失常、休克或心力衰竭，常可危及生命。本病在欧美最常见，美国每年约有 150 万人发生心肌梗塞。中国近年来呈明显上升趋势，每年新发至少 50 万，现患至少 200 万。患者多发生在冠状动脉粥样硬化狭窄基础上，由于某些诱因致使冠状动脉粥样斑块破裂，血中的血小板在破裂的斑块表面聚集，形成血块（血栓），突然阻塞冠状动脉管腔，导致心肌缺血坏死；另外，心肌耗氧量剧烈增加或冠状动脉痉挛也可诱发急性心肌梗塞。

风险预测

您的相对风险值为 0.94，属于相对风险正常。这意味着您处于人群正常风险范围内。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
-----	------	-----	-----

/	rs10757278	A/G	1.26
/	rs11206510	T/T	1.12
/	rs1333049	G/C	1.55
CDKN2B-AS1	rs2383208	G/G	1.50
CYP2C19	rs28399504	A/A	1.00
CYP2C19	rs4244285	A/G	1.79
IL18	rs1946518	T/T	1.00
LRP8	rs5174	G/G	1.00
MIA3	rs17465637	A/C	1.17
TNFSF4	rs3861950	C/T	1.73

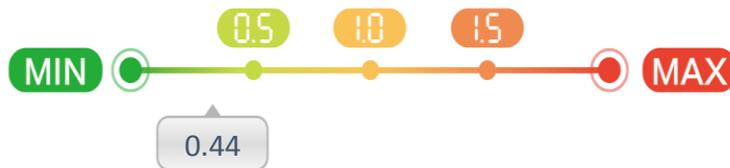
脑梗死发生风险

相关简介

脑梗塞又称缺血性脑卒中，是指因脑部血液供应障碍，缺血、缺氧所导致的局限性脑组织的缺血性坏死或软化。脑梗塞的临床常见类型有脑血栓形成、腔隙性梗死和脑栓塞等，脑梗塞占全部脑卒中的 80%。与其关系密切的疾病有：糖尿病、肥胖、高血压、风湿性心脏病、心律失常、各种原因的脱水、各种动脉炎、休克、血压下降过快过大等。临床表现以猝然昏倒、不省人事、半身不遂、言语障碍、智力障碍为主要特征。脑梗塞不仅给人类健康和生命造成极大威胁，而且给患者、家庭及社会带来极大的痛苦和沉重的负担。脑梗塞作为一种突发性脑部疾病可发生于任何年龄段，坏死程度因血栓部位及大小不同而有差别。多见于 45~70 岁中老年人。

风险预测

您的相对风险值为 0.44，属于相对风险较低。这意味着您与普通人群的平均风险值（1.0）相比低 56%。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
-----	------	-----	-----

AGT	rs699	C/C	1.00
APOE	rs429358	T/T	1.00
PTGS2	rs689466	A/G	1.51
TNFSF4	rs3861950	C/T	1.73

I 型糖尿病发生风险

相关简介

I 型糖尿病，原名胰岛素依赖型糖尿病，多发生在儿童和青少年，也可能发生在一生中各个年龄段，特别是更年期。起病比较急剧，体内胰岛素绝对缺乏，口渴、多饮、多尿、多食以及乏力消瘦，体重急剧下降等症状十分明显，容易发生酮症酸中毒，必须用胰岛素治疗才能获得满意疗效，否则将危及生命。I 型糖尿病最终将无一例外地使用胰岛素治疗。

风险预测

您的相对风险值为 0.93，属于相对风险正常。这意味着您处于人群正常风险范围内。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
/	rs947474	A/A	1.00
/	rs11052552	G/T	1.43
/	rs11171739	C/T	1.34
/	rs2542151	T/T	1.00

ADAD1	rs17388568	G/G	1.00
AP4B1-AS1/PTP N22	rs2476601	G/G	1.00
CD226	rs763361	C/C	1.00
CLEC16A	rs12708716	A/A	1.55
CTLA4	rs231775	A/G	1.39
CTLA4	rs3087243	G/G	2.26
CTSH	rs3825932	T/T	1.00
ERBB3	rs2292239	G/T	1.28
HLA-DQA1	rs9272346	A/G	5.49
IFIH1	rs1990760	C/C	1.00
IL2	rs2069763	G/T	1.13
IL7R	rs6897932	G/G	1.00
NAA25	rs17696736	A/A	1.00
PHTF1	rs6679677	C/C	1.00
SH2B3	rs3184504	C/C	1.00
STAT4	rs7574865	G/T	1.94

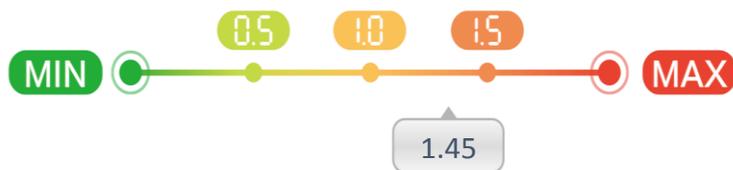
II型糖尿病发生风险

相关简介

II型糖尿病原名叫成人发病型糖尿病，多在 35~40 岁之后发病，占糖尿病患者 90%以上。II型糖尿病患者体内产生胰岛素的能力并非完全丧失，一部分病人以胰岛素抵抗为主，病人多肥胖，因胰岛素抵抗，胰岛素敏感性下降，血中胰岛素增高以补偿其胰岛素抵抗，但相对病人的高血糖而言，胰岛素分泌仍相对不足。此类病人早期症状不明显，仅有轻度乏力、口渴，常在明确诊断之前就可发生大血管和微血管并发症。饮食治疗和口服降糖药均可有效。另一部分病人以胰岛素分泌缺陷为主，临床上需要补充外源性胰岛素。

风险预测

您的相对风险值为 1.45，属于相对风险较高。这意味着您与普通人群的平均风险值（1.0）相比高 45%。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
/	rs10757278	A/G	1.09

/	rs10811661	C/C	1.00
/	rs11257655	T/T	1.11
/	rs4977574	A/G	1.21
CDKAL1	rs7756992	A/G	1.27
CDKAL1	rs2206734	A/G	1.20
FAM58A	rs12010175	G/G	1.21
GRK5	rs10886471	C/C	1.12



健康管理建议

饮食建议

适当增加富含膳食纤维（如豆类、水果类、蔬菜类、全谷物等）和铬（如谷薯类、豆类、奶类、坚果类等）的食物摄入；必要时补充膳食营养补充剂。

戒烟限酒（成年男性：<25g 酒精/天；成年女性：<15g 酒精/天），儿童、青少年孕妇、乳母不宜饮酒；同时避免吸入二手烟。

	啤酒	葡萄酒	38%酒精度白酒	高度白酒
15g酒精	450ml	150ml	50ml	30ml
25g酒精	750ml	250ml	75ml	50ml

生活建议

要定期检查身体，进行血糖、尿糖检测，发现糖耐量减低时，更应积极加强预防。一旦发生糖尿病后，应在医生的指导下，纠正不合理的的生活方式，并采用有效药物积极进行治疗。

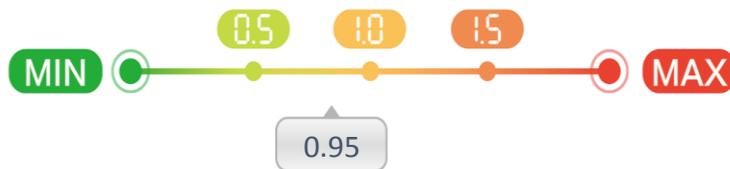
骨质疏松发生风险

相关简介

骨质疏松即骨质疏松症，是多种原因引起的一组骨病，骨组织有正常的钙化，钙盐与基质呈正常比例，以单位体积内骨组织量减少为特点的代谢性骨病变。在多数骨质疏松中，骨组织的减少主要由于骨质吸收增多所致。以骨骼疼痛、易于骨折为特征。分为特发性（原发性）和继发性两类。随着我国人口老龄化的到来，骨质疏松已成为老年疾病防治工作的重点问题之一，引起了社会各方面的高度关注。

风险预测

您的相对风险值为 0.95，属于相对风险正常。这意味着您处于人群正常风险范围内。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
ALDH7A1	rs13182402	A/A	1.00
ESR1	rs2234693	C/T	0.88
FTCDNL1	rs7605378	A/C	1.25

SPTBN1	rs11898505	G/G	2.31
--------	------------	-----	------

失眠症发生风险

相关简介

失眠症指无法入睡或无法保持睡眠状态，导致睡眠不足，又称入睡和维持睡眠障碍（DIMS），为各种原因引起的入睡困难、睡眠深度或频度过短、早醒及睡眠时间不足或质量差等。主要是在青年期起病，到中年期逐渐增多，一般小孩是不常见的，但是女性常见。常见导致失眠的原因主要有遗传因素、环境原因、个体因素、躯体原因、精神因素、情绪因素等。根据传统中医理论，失眠的原因主要为脏腑机能紊乱，尤其是心的温阳功能与深度滋阴功能不能协调、气血亏虚、阴阳失调等。长期过度的失眠是一种病，需要经过治疗和调理来使睡眠恢复正常状态。

风险预测

您的相对风险值为 0.01，属于相对风险较低。这意味着您与普通人群的平均风险值（1.0）相比低 99%。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
/	rs186736700	A/A	0.37

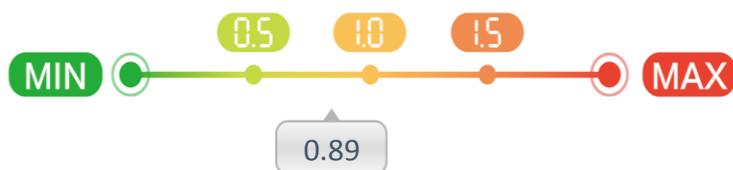
偏头痛发生风险

相关简介

偏头痛是临床最常见的原发性头痛类型，临床以发作性中重度、搏动样头痛为主要表现，头痛多为偏侧，一般持续4~72小时，可伴有恶心、呕吐，光、声刺激或日常活动均可加重头痛，安静环境、休息可缓解头痛。偏头痛是一种常见的慢性神经血管性疾病，多起病于儿童和青春期，中青年期达发病高峰。偏头痛主要包括有先兆的偏头痛和无先兆的偏头痛两大类。

风险预测

您的相对风险值为0.89，属于相对风险正常。这意味着您处于人群正常风险范围内。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
/	rs1835740	G/G	1.51
LRP1	rs11172113	C/T	0.81
PGR	rs1042838	G/G	1.00
PRDM16	rs2651899	A/G	1.10

TRPM8	rs10166942	C/T	0.85
-------	------------	-----	------

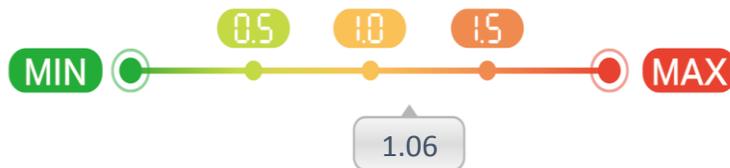
抑郁症发生风险

相关简介

抑郁症又称抑郁障碍，以显著而持久的心境低落为主要临床特征，是心境障碍的主要类型。临床可见心境低落与其处境不相称，情绪的消沉可以从闷闷不乐到悲痛欲绝，自卑抑郁，甚至悲观厌世，可有自杀企图或行为；甚至发生木僵；部分病例有明显的焦虑和运动性激越；严重者可出现幻觉、妄想等精神病性症状。每次发作持续至少 2 周以上、长者甚或数年，多数病例有反复发作的倾向，每次发作大多数可以缓解，部分可有残留症状或转为慢性。迄今，抑郁症的病因并不清楚，但可以肯定的是，生物、心理与社会环境诸多方面因素参与了抑郁症的发病过程。

风险预测

您的相对风险值为 1.06，属于相对风险正常。这意味着您处于人群正常风险范围内。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
MTHFR	rs1801133	C/T	1.30

SP4	rs17144465	A/G	1.56
TMEM161B-AS1	rs768705	G/G	1.10

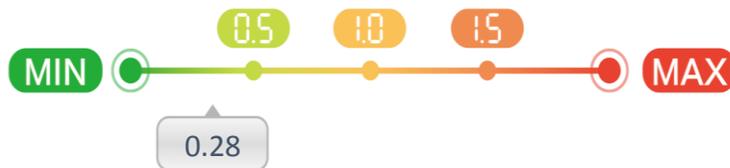
强迫症发生风险

相关简介

强迫症 (OCD) 属于焦虑障碍的一种类型, 是一组以强迫思维和强迫行为为主要临床表现的神经精神疾病, 其特点为有意识的强迫和反强迫并存, 一些毫无意义、甚至违背自己意愿的想法或冲动反反复复侵入患者的日常生活。患者虽体验到这些想法或冲动是来源于自身, 极力抵抗, 但始终无法控制, 二者强烈的冲突使其感到巨大的焦虑和痛苦, 影响学习工作、人际交往甚至生活起居。强迫症因其起病早、病程迁延等特点, 常对患者社会功能和生活质量造成极大影响, 世界卫生组织 (WHO) 所做的全球疾病调查中发现, 强迫症已成为 15~44 岁中青年人群中造成疾病负担最重的 20 种疾病之一。

风险预测

您的相对风险值为 0.28, 属于相对风险较低。这意味着您与普通人群的平均风险值 (1.0) 相比低 72%。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
ANKK1	rs1800497	C/T	0.50

SLC6A4	rs25532	C/C	1.00
TPH2	rs4565946	T/T	1.00

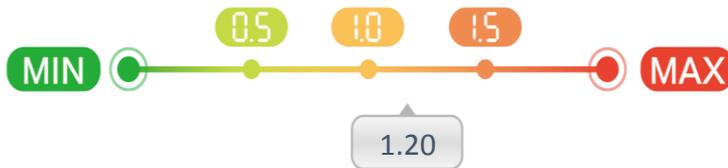
皮肤抗衰老能力

相关简介

衰老通常分为内源性衰老和外源性衰老两个方面，内源性衰老的过程很大程度上受多种特异基因的影响，同种生物内部微小的基因变化（如单核苷酸多态性）可以影响该个体在各个年龄段的老化速度，外源性皮肤衰老以日光中的紫外线（UV）所造成的皮肤“光老化”最为显著，真正促使我们衰老的东西是人体新陈代谢产生的自由基。当身体无法维持自由基系统的平衡状态时，我们皮肤就会失去弹性、出现皱纹，使我们衰老。

风险预测

您的相对能力值为 1.20，属于相对能力较强。这意味着您与普通人群的平均能力值（1.0）相比高 20%。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
AGER	rs2070600	C/T	1.07
CAT	rs1001179	C/C	0.53
GLO1	rs1049346	G/G	1.60

NFE2L2	rs35652124	C/C	1.60
--------	------------	-----	------

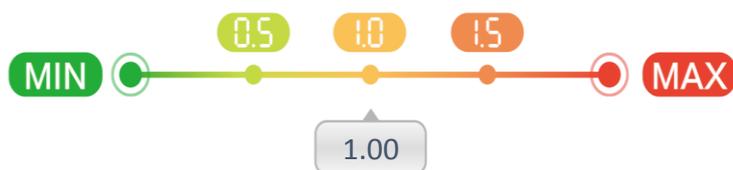
荷尔蒙分泌水平

相关简介

激素，它对机体的代谢、生长、发育、繁殖、性别、性欲和性活动等起重要的调节作用。就是高度分化的内分泌细胞合成并直接分泌入血的化学信息物质，它通过调节各种组织细胞的代谢活动来影响人体的生理活动。由内分泌腺或内分泌细胞分泌的高效生物活性物质，在体内作为信使传递信息，对机体生理过程起调节作用的物质称为激素。它是我们生命中的重要物质。

风险预测

您的相对水平值为 1.00，属于相对水平正常。这意味着您处于人群正常水平范围内。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
ESR1	rs722208	A/G	1.33
SHBG	rs1799941	G/G	0.67

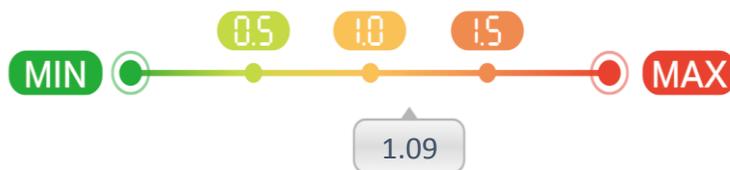
卵巢早衰发生风险

相关简介

卵巢早衰 (POF) 是指卵巢功能衰竭所导致的 40 岁之前即闭经的现象。特点是原发或继发闭经伴随血促性腺激素水平升高和雌激素水平降低, 并伴有不同程度的一系列低雌激素症状如: 潮热多汗、面部潮红、性欲低下等。妇女的平均自然绝经年龄为 50~52 岁, 绝经年龄存在着种族和地区分布的差异, 但其绝对值相差不大。研究发现, 小于 40 岁的 POF 发生率为 1%, 小于 30 岁的 POF 发生率为 1‰。原发闭经中 POF 占 10%~28%, 继发闭经中 POF 占 4%~18%。由此可见, POF 在临床上并不少见。

风险预测

您的相对风险值为 1.09, 属于相对风险正常。这意味着您处于人群正常风险范围内。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
/	rs10464815	A/A	1.64
CXCL12	rs1801157	G/G	0.55

ESR1

rs2234693

T/C

1.09

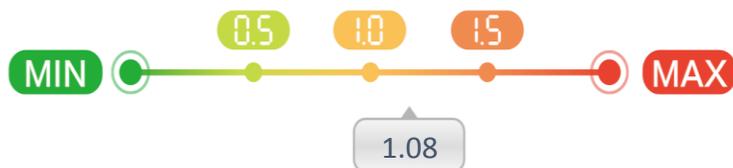
更年期综合症发生风险

相关简介

更年期是指妇女从性腺功能衰退开始至完全丧失为止的一个转变时期，而绝经期则仅仅是指月经绝止不行，绝经之前已存在卵巢逐步衰退的阶段。据调查，大约 2~4 年，不同的人长短不一，称为绝经前期。绝经之后卵巢功能更为低下，但不一定立即完全消失，一般也要经历 2~3 年，也有长达 6~8 年，甚至更长。所以更年期是绝经前期、绝经和绝经后期的总和，因此有学者称之为“围绝经期”。

风险预测

您的相对风险值为 1.08，属于相对风险正常。这意味着您处于人群正常风险范围内。图为相对于人群检测结果展示。



详细检测结果

基因名	基因位点	基因型	风险值
HELQ	rs4693089	G/G	0.46
MCM8	rs16991615	G/G	1.38

UIMC1

rs365132

T/T

1.38



附录及参考文献

- [1] Newton-Cheh C, Johnson T, et al. Genome-wide association study identifies eight loci associated with blood pressure. *Nat Genet.* 2009 Jun;41(6):666-76.
- [2] Liu JM, Zhang MJ, et al. Analysis of recently identified osteoporosis susceptibility genes in Han Chinese women. *J Clin Endocrinol Metab.* 2010 Sep;95(9):E112-20.
- [3] Riancho JA, Valero C, et al. Genetic polymorphisms are associated with serum levels of sex hormone binding globulin in postmenopausal women. *BMC Med Genet.* 2008 Dec 17;9:112.
- [4] Feng J, Liu YH, et al. TNFSF4 gene polymorphism rs3861950 but not rs3850641 is associated with the risk of cerebral infarction in a Chinese population. *J Thromb Thrombolysis.* 2013 Oct;36(3):307-13.
- [5] Liu Y, Cao L, Li Z, et al. A genome-wide association study identifies a locus on TERT for mean telomere length in Han Chinese[J]. *PloS one*, 2014, 9(1): e85043.
- [6] Murray A, Bennett CE, et al. Common genetic variants are significant risk factors for early menopause: results from the Breakthrough Generations Study. *Hum Mol Genet.* 2011 Jan 1;20(1):186-92.
- [7] Shyn SI, Shi J, et al. Novel loci for major depression identified by genome-wide association study of Sequenced Treatment Alternatives to Relieve Depression and meta-analysis of three studies. *Mol Psychiatry.* 2011 Feb;16(2):202-15.
- [8] Helgadóttir A, Thorleifsson G, et al. A common variant on chromosome 9p21 affects the risk of myocardial infarction. *Science.* 2007 Jun 8;316(5830):1491-3.
- [9] Mössner R, Walitza S, et al. Transmission disequilibrium of polymorphic variants in the tryptophan hydroxylase-2 gene in children and adolescents with obsessive-compulsive disorder. *Int J Neuropsychopharmacol.* 2006 Aug;9(4):437-42.

- [10] Shi TY, Chen XJ, et al. A pri-miR-218 variant and risk of cervical carcinoma in Chinese women. *BMC Cancer*. 2013; 13: 19.
- [11] Wang F, Zou YF, et al. Association of CYP1B1 gene polymorphisms with susceptibility to endometrial cancer: a meta-analysis. *Eur J Cancer Prev*. 2011 Mar;20(2):112-20.
- [12] Stein MB, McCarthy MJ, et al. Genome-wide analysis of insomnia disorder. *Mol Psychiatry*. 2018 Nov;23(11):2238-2250.
- [13] Goode EL, Chenevix-Trench G, et al. A genome-wide association study identifies susceptibility loci for ovarian cancer at 2q31 and 8q24. *Nat Genet*. 2010 Oct;42(10):874-9.
- [14] Wang B1, Suo P, et al. Haplotype analysis of chemokine CXCL12 polymorphisms and susceptibility to premature ovarian failure in Chinese women. *Hum Reprod*. 2011 Apr;26(4):950-4.
- [15] Schunkert H, Götz A, et al. Repeated replication and a prospective meta-analysis of the association between chromosome 9p21.3 and coronary artery disease. *Circulation*. 2008 Apr 1;117(13):1675-84.
- [16] Daniel I Chasman, Markus Schürks, et al. Genome-wide association study reveals three susceptibility loci for common migraine in the general population. *Nature Genetics* volume 43, pages 695–698 (2011).
- [17] Kim HC, Lee JY, et al. A genome-wide association study identifies a breast cancer risk variant in ERBB4 at 2q34: results from the Seoul Breast Cancer Study. *Breast Cancer Res*. 2012 Mar 27;14(2):R56.
- [18] Ng MC, Park KS, et al. Implication of genetic variants near TCF7L2, SLC30A8, HHEX, CDKAL1, CDKN2A/B, IGF2BP2, and FTO in type 2 diabetes and obesity in 6,719 Asians. *Diabetes*. 2008 Aug;57(8):2226-33.
- [19] Wellcome Trust Case Control Consortium. Genome-wide association study of 14,000 cases of seven common diseases and 3,000 shared controls. *Nature*. 2007 Jun 7;447(7145):661-78.

让您的健康成长之路更科学



小慧优选



慧算营养优选



慧算健康管理

慧算健康管理（上海）有限公司

上海市浦东新区科苑路 1278 号上海科学院 3 楼

www.smartquerier.com

400-168-5027